

Hinweise zum Probentransport

nach dem Umzug der Core Unit DNA ins SIKT

Transport von Sequenzierproben zur Core Unit DNA-Technologien

Neben der Möglichkeit die Proben zur Sequenzierung weiterhin direkt vor Ort, nun in der Philipp-Rosenthal-Straße 55, Haupteingang, im Erdgeschoss links, Laborraum B1 0107 abzugeben (links neben dem Treppenaufgang klingeln), fährt ab dem 1.10.2020 der Fahrdienst vom Max-Bürger-Forschungszentrum (MBFZ, Pforte im Erdgeschoss) und von der Liebigstraße 19 (Pfortner im Eingangsbereich) zur Core Unit DNA im SIKT.

Dieser Transport erfolgt werktäglich jeweils gegen 10.00 Uhr in einer gekühlten Styroporbox, die in einem Kühlschrank im MBFZ, am Pfortnertisch bzw. im Rohrpostraum in der Liebigstraße 19 (Kühlschrank hinter der Tür) bereit steht.

Bitte verpacken Sie die Proben, die zur Core Unit transportiert werden sollen, zusammen mit dem entsprechenden Bestellformular in einer Plastikhülle. Das Bestellformular ist u.a. online auf den Internetseiten der Core Unit verfügbar und sollte mit großer Sorgfalt ausgefüllt werden, um zeitlich Verzögerungen zu vermeiden. Die Kühlschränke im MBFZ und in der Liebigstraße sind von Montag bis Freitag, von 7.30 Uhr bis 17.00 Uhr zugänglich, in der Liebigstraße solange der Pfortner im Haus ist (ca. 19 Uhr).

Ausgabe der Sequenziererergebnisse

Sie haben weiterhin die Möglichkeit die Ergebnisse der Sequenzierung vor Ort, nun in der Philipp-Rosenthal-Straße abzuholen. Außerdem werden alle Ergebnisse per E-mail versandt werden. Dies betrifft sowohl die Textfiles der Sequenzen als auch die farbigen Sequenzkurven (Elektropherogramme), die bisher in den meisten Fällen als Ausdrucke bereitgestellt wurden. Die Elektropherogramme lassen sich auf PCs mit einem Windows-Betriebssystem über das Programm Chromas auf dem Bildschirm betrachten und teilweise bearbeiten.

Das Programm Chromas Lite ist als kostenloser Download im Internet als Freeware verfügbar (<http://technelysium.com.au/wp/chromas/>).

Neben Chromas, gibt es inzwischen ein neues Tool mit dem Namen **SeqScanner**, das man für die Visualisierung von .ab1 Dateien des DNA Sequenzierers verwenden kann.

Der Viewer wird von Applied Biosystems kostenlos zur Verfügung gestellt und kann über <https://sequence-scanner-software.software.informer.com/2.0/> heruntergeladen

geladen werden.

Mit diesem Viewer lassen sich die kompletten Infos der .abi1 Dateien einschließlich PHRED Scores darstellen.

Auf Wunsch (bitte auf dem Bestellformular vermerken) werden Ausdrücke der farbigen Sequenzkurven per Hauspost versandt.

Nicht verbrauchte Sequenzierproben werden auf Wunsch in der Core Unit zeitlich begrenzt (3 Monate) gelagert. Sie müssen aber in der Inselstraße abgeholt werden.

Kontakt:

Dr. Knut Krohn, Birgit Oelzner, Petra Süptitz, Kathleen Stein, Fon 39426,
e-mail: knut.krohn@medizin.uni-leipzig.de; birgit.oelzner@medizin.uni-leipzig.de

